

```

*** : ** :: * : * * * * : * * * . * . * : * . : * . * : * * * * * * : : * * : * : *
gi 24642107 |ref| NP_573005.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGRSSYHIQKSTCAQCGYPAAKLRSYNWSVKAKRRKTTGTGRMQLKVVRRFRNGFREGTQAKPKKAVASK---- 93
gi 58378950 |ref| XP_309142.2 |-----QTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGRSSYHIQKHTCSRSGYPAAKIRSYNWSSEKAKRRRTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGQVAKPRKSAA----- 91
gi 4506641 |ref| NP_000988.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 55624394 |ref| XP_517789.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 13385572 |ref| NP_080345.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 13592063 |ref| NP_112368.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 119913210 |ref| XP_001249478.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 118151332 |ref| NP_001071600.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 73969288 |ref| XP_851032.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 50761594 |ref| XP_424773.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 125847434 |ref| XP_001335983.1 |-----MTKGTSSFGKRRNKHTLTCRRCGSKAYHLOKSTCGKCGYPAKRRRKYNWSAKAKRRNTTGTGRMRHLKIVYRRFRHGFREGTPPKPKRAAVAAASSSS 97
gi 18401007 |ref| NP_566535.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCVRCGRRSFHIQKSRCSACAYPAARKRTYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEAKPRSKASASSA-- 95
gi 15218208 |ref| NP_175640.1 |-----MTKGTGSSFGKRRNKSHLTCVRCGRRSFHIQKSRCSACAYPAARKRTYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEAKPRNKGVASASSA-- 95
gi 15218094 |ref| NP_172977.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCVRCGRRSFHIQKSRCSACAYPAARKRTYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEATPRNKAAASSS-- 95
gi 115443751 |ref| NP_001045655.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKHTLTCVRCGRRSFHLOKSTCSSCGYPAARIRKYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEATPRKRAAAN-- 94
gi 115474631 |ref| NP_001060912.1 |MGHRSPPCLPPHFSPPKPKIRGKGTGSSFGKRRNKHTLTCVRCGRRSFHLOKSTCSSCGYPAARIRKYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEATPRKRAAVAN-- 113
gi 115449569 |ref| NP_001048498.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKHTLTCVRCGRRSFHLOKSTCSSCGYPAARIRKYNWSVKAIIRKTTTGTGRMRYLKVVRRFRNGFREGTEAAPRKKGAAASN-- 95
gi 19075850 |ref| NP_588350.1 |-----MTKGTQSSFGMRHNKSHLTCRRCGKRSFHIQKSTCACCYPAAKTRSYNWSGAKAKRRRTTGTGRMSYLKVVHRSFKNGFRSGKPAAVAAASA----- 91
gi 67993591 |ref| NP_001018221.1 |-----MTKGTQSSFGMRHNKSHLTCRRCGKRSFHIQKSTCACCYPAAKTRSYNWSGAKAKRRRTTGTGRMSYLKVVHRSFKNGFRAGKPTSAATA----- 89
gi 6323214 |ref| NP_013286.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCNRCGRRSFHVQKKTSSCGYPAAKTRSYNWSGAKAKRRRTTGTGRMRYLKVVHRSFKNGFOTGSSASKASA----- 88
gi 6320708 |ref| NP_010788.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCNRCGRRSFHVQKKTSSCGYPAAKTRSYNWSGAKAKRRRTTGTGRMRYLKVVHRSFKNGFOTGSSAKATSA----- 88
gi 50304647 |ref| XP_452279.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCCKRCGRSSYHIQKHTCSSCGYPAAKMRSHNWAAKAKRRRTTGTGRMRYLKVVHRSFKNGFOSGEAKAQA----- 88
gi 45199207 |ref| NP_986236.1 |-----MGKGTGSSFGKRRNKSHLTCNRCGRRSFHIQKKTSSCGYPAAKMRSYNWAATKAKRRRTTGTGRMRYLKVVHRSFKNGFOTGSAKPPQA----- 88
gi 145610258 |ref| XP_366544.2 |-----MTKGTSSFGKRRNKSHLTCRRCGRRSLHVOKHTCASCYPAAKTRKYNWSSEKAKRRKTTTGTGRMRYLKVVHRSFKNGFOTGTPKGSRGINNVA----- 94
gi 32417356 |ref| XP_329156.1 |-----MTKGTSSFGKRHTKHTGLTCRRCGRRSLHNOKKVCASCYPAAKTRKYNWSSEKAKRRKTTTGTGRRLYLSTVSRKFKNGFOTGVPKGSKGFP--VAA-- 92
gi 17536655 |ref| NP_497072.1 |-----MTKGTQAFGKKHVKSHLTCCKRCGKSSFHIQKRCASCYPAKTRKYNWSGAKSIRRRRTTGTGRTRHLRDNARFRNGFREGTPPKPRAQPTN----- 92
gi 17554756 |ref| NP_497727.1 |-----MTKGTQAFGKKHVKSHLTCCKRCGKSSFHIQKRCASCYPAKTRKYNWSGAKSIRRRRTTGTGRTRHLRDNARFRNGFREGTPPKPRAQPTN----- 91
1.....10.....20.....30.....40.....50.....60.....70.....80.....90.....100.....110.....

```

